

**ΑΡΙΣΤΟΤΕΛΕΙΟ ΠΑΝΕΠΙΣΤΗΜΙΟ ΘΕΣΣΑΛΟΝΙΚΗΣ**  
**ΣΧΟΛΗ ΕΠΙΣΤΗΜΩΝ ΥΓΕΙΑΣ**  
**ΤΜΗΜΑ ΙΑΤΡΙΚΗΣ**  
**ΕΡΓΑΣΤΗΡΙΟ ΒΙΟΛΟΓΙΚΗΣ ΧΗΜΕΙΑΣ**  
*Διευθύντρια: Καθηγήτρια Σοφία Κουίδου-Ανδρέου*

Τηλ.: 2310 999118, 2310 999002  
Fax: 2310 999004  
E-mail: kouidou@auth.gr

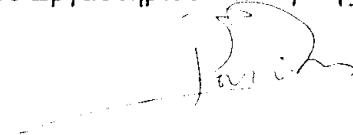
Α.Π. 68

Θεσσαλονίκη, 05-04-2017

Προς  
τη Γραμματεία του Τμήματος Ιατρικής  
της Σχολής Επιστημών Υγείας Α.Π.Θ.

Σας διαβιβάζω την εισηγητική έκθεση της 3/μελούς εισηγητικής επιτροπής που αφορά τη μετάταξη της κ. Αντιγόνης Μαλούση από τη β/θμια σε θέση Ε.ΔΙ.Π., βάσει του Ν.4386/2016 άρθρο 33 παράγραφος 7.

Η Διευθύντρια  
του Εργαστηρίου Βιολογικής Χημείας

  
Καθηγήτρια Σ. Κουίδου-Ανδρέου

## Εισήγηση

Των

Σοφίας Κουίδου-Ανδρέου - Καθηγήτρια Βιοχημείας

Ιωάννας Χουβαρδά - Επίκουρη Καθηγήτρια Ιατρικής Πληροφορικής

Δήμητρας Φαρδή – Μέλος Ε.ΔΙ.Π.

Που ορίστηκαν από τη ΓΣ του Τμήματος Ιατρικής αριθ. 11/21-3-2017 ως μέλη επιτροπής για τη μετάταξη της κ. Αντιγόνης Μαλούση στο πλαίσιο των μετατάξεων μονίμων εκπαιδευτικών της πρωτοβάθμιας και δευτεροβάθμιας εκπαίδευσης σε θέσεις της κατηγορίας Εργαστηριακού Διδακτικού Προσωπικού (Ε.ΔΙ.Π.) των Πανεπιστημίων και των Τ.Ε.Ι. (παρ. 7 άρθρου 33 Ν.4386/2016),

Στο συνημμένο απογραφικό δελτίο που συμπληρώθηκε μετά την εξέταση των δικαιολογητικών που έχει καταθέσει η υποψήφια κ. Αντιγόνη Μαλούση για μετάταξη βάσει του άρθρου 33 παράγραφος 7 του Νόμου 4386/2016, αναφέρονται αναλυτικά τα προσόντα και η εκπαίδευση της υποψήφιας. Συνοπτικά με βάση τα στοιχεία που κατατέθηκαν διαπιστώθηκαν τα ακόλουθα:

1. Σύμφωνα με τα πιστοποιητικά που αφορούν σε τίτλους σπουδών (Τίτλο Διδακτορικού Διπλώματος, Μεταπτυχιακού Διπλώματος Εξειδίκευσης και Πτυχίου) (πιστοποιητικά αρ. 2, 3 και 4), καθώς και τη μεταδιδακτορική προϋπηρεσία της σε ερευνητικά κέντρα της Ελλάδας και της Γαλλίας και σε Ελληνικά ΑΕΙ (πιστοποιητικά προϋπηρεσίας Νο. 9-14) με συνολική διάρκεια απασχόλησης χωρίς επικαλύψεις 48,5 μήνες), προκύπτει ότι η κ. Μαλούση υπερκαλύπτει τις προβλεπόμενες από τον Νόμο 4386/2016 αρθρ. 33 προϋποθέσεις για την ένταξή της σε θέση ΕΔΙΠ.
2. Από τα κατατεθειμένα κείμενα και τις δημοσιευμένες εργασίες, με αντικείμενο τη Βιοπληροφορική (18 δημοσιεύσεις σε έγκριτα διεθνή περιοδικά, 8 κεφάλαια σε βιβλία και 23 δημοσιεύσεις σε πρακτικά συνεδρίων, σε 17 ως πρώτη συγγραφέας στο σύνολο του έργου, 275 ετεροαναφορές) προκύπτει ότι η κ. Μαλούση έχει την επιστημονική εξειδίκευση και ευρύ επιστημονικό έργο που της επιτρέπει την πλήρη κάλυψη των διδακτικών αναγκών στο αντικείμενο της Βιοπληροφορικής.
3. Η κ. Μαλούση επίσης διαθέτει μακρόχρονη διδακτική εμπειρία τόσο στην δευτεροβάθμια, όσο και στην τριτοβάθμια εκπαίδευση που την καθιστά ιδιαίτερα κατάλληλη για την εκπλήρωση των διδακτικών καθηκόντων της στο Ιατρικό τμήμα. Επίσης έχει αξιολογηθεί ιδιαίτερα θετικά για τη διδασκαλία της από τους φοιτητές στο αγγλόφωνο πρόγραμμα μεταπτυχιακών σπουδών *Medical Research Methodology* του Τμήματος Ιατρικής ΑΠΘ.
4. Τέλος, η κ. Μαλούση πρόκειται να καλύψει προπτυχιακές και μεταπτυχιακές διδακτικές ανάγκες του Εργαστηρίου Βιολογικής Χημείας και των μεταπτυχιακών προγραμμάτων σπουδών του Ιατρικού Τμήματος ορισμένες από τις οποίες έχουν περιστασιακά καλυφθεί από την ίδια σε διαφορετικά χρονικά διαστήματα. Αναλυτικότερα, η κ. Μαλούση θα διδάξει στο Εργαστήριο Βιολογικής Χημείας, ως αποκλειστικά υπεύθυνη σε ασκήσεις των ακόλουθων μαθημάτων:

	Μάθημα	Αρ. Εργαστηρίων	Φοιτητές ανά εργαστήριο	Ώρες διδασκαλίας	Ώρες εξ αποστάσεως εκπαίδευσης	Σύνολο ωρών
1	Εισαγωγή στη Βιοχημεία	15	20	30	40	70
2	Βιοχημεία Ι (Τμ. Ιατρικής και Οδοντιατρικής)	20	20	40	40	80
3	Βιοχημεία ΙΙ	17	20	34	40	74

Σε ετήσια βάση, ο προβλεπόμενος αριθμός ωρών διδασκαλίας σε προπτυχιακό επίπεδο είναι **224**.

Διδασκαλία μεταπτυχιακών μαθημάτων:

A/A	Πρόγραμμα Σπουδών	Τίτλος Μαθήματος	Ώρες διδασκαλίας	Ώρες εξ αποστάσεως εκπαίδευσης	Σύνολο ωρών
1	ΠΜΣ Ιατρική Ερευνητική Μεθοδολογία	Μέθοδοι βασικών επιστημών στην Ιατρική έρευνα Ι	2	0	2
2	ΠΜΣ Medical Research Methodology	C3 - Basic sciences methodology	2	20	22
3	ΔΠΜΣ Ιατρικής Πληροφορικής	Σύγχρονες & ολοκληρωμένες τεχνικές διαχείρισης ιατρικής πληροφορίας	4	6	10

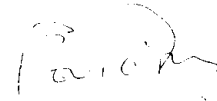
Σε ετήσια βάση ο προβλεπόμενος αριθμός ωρών διδασκαλίας μεταπτυχιακών μαθημάτων είναι **34**.

Τέλος, η κ. Μαλούση θα συμμετάσχει στη διδασκαλία σεμιναριακών μαθημάτων που απευθύνονται σε μέλη ΔΕΠ συνολικής διάρκειας 80 ωρών (2 ώρες x 40 εβδομάδες).

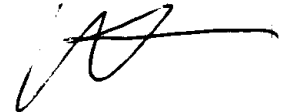
Σύμφωνα λοιπόν με όσα αναλυτικά αναφέρθηκαν προηγούμενα, η τριμελής επιτροπή προτείνει ανεπιφύλακτα τη μετάταξη της κ. Μαλούση στο Εργαστήριο Βιολογικής Χημείας.

Η ΕΙΣΗΓΗΤΙΚΗ ΕΠΙΤΡΟΠΗ

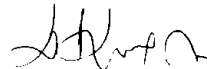
Σοφία Κουίδου-Ανδρέου Καθηγήτρια Βιοχημείας



Ιωάννα Χουβαρδά Επίκουρη Καθηγήτρια Ιατρικής Πληροφορικής



Δήμητρα Φαρδή Μέλος Ε.ΔΙ.Π.



Συνημμένα:

1. Βιογραφικό σημείωμα
2. Αντίγραφο πτυχίου
3. Αντίγραφο μεταπτυχιακού διπλώματος εξειδίκευσης
4. Αντίγραφο διδακτορικού διπλώματος
5. Απόσπαση κατά το έτος 2004-2005
6. Απόσπαση κατά το έτος 2005-2006
7. Απόσπαση κατά το έτος 2006-2007
8. Απόσπαση κατά το έτος 2007-2008
9. Απόσπαση κατά το έτος 2009-2010
10. Επίσημη μετάφραση πιστοποιητικού εργασίας του Ινστιτούτου Μεταφραστικών Νευροεπιστημών του Πανεπιστημιακού Νοσοκομείου Pitié-Salpêtrière στο Παρίσι
11. Βεβαίωση εργασίας στο Τεχνολογικό Εκπαιδευτικό Ίδρυμα Θεσ/νίκης
12. Βεβαίωση απασχόλησης σε ερευνητικά έργα του Α.Π.Θ.
13. Σύμβαση ανάθεσης ερευνητικού έργου στο ΕΚΕΤΑ
14. Σύμβαση ανάθεσης διδακτικού έργου στο Α.Π.Θ.
15. Βεβαίωση άμισθης επιστημονικής εργασίας στο Ιατρικό τμήμα ΑΠΘ.
16. DVD διδακτορικής διατριβής και δημοσιεύσεων
17. Απογραφικό δελτίο υποψηφίου

**ΑΠΟΓΡΑΦΙΚΟ ΔΕΛΤΙΟ ΥΠΟΨΗΦΙΟΥ ΕΚΠΑΙΔΕΥΤΙΚΟΥ ΓΙΑ ΜΕΤΑΤΑΞΗ ΣΕ  
ΘΕΣΗ Ε.ΔΙ.Π.**

**ΤΟΥ ΤΜΗΜΑΤΟΣ ΙΑΤΡΙΚΗΣ Α.Π.Θ.**

(άρθρο 29 του ν.4009/2011, άρθρο 33, παρ. 7 του Ν.4386/2016)

<b>1</b>	<b>ΕΠΩΝΥΜΟ</b>	ΜΑΛΟΥΣΗ
<b>2</b>	<b>ΟΝΟΜΑ</b>	ΑΝΤΙΓΟΝΗ
<b>3</b>	<b>ΠΑΤΡΩΝΥΜΟ</b>	ΔΗΜΗΤΡΙΟΣ
<b>4</b>	<b>ΤΙΤΛΟΙ ΣΠΟΥΔΩΝ</b>	1) Διδακτορικό δίπλωμα στη Βιοπληροφορική 2) Μεταπτυχιακό δίπλωμα εξειδίκευσης στην Ιατρική Πληροφορική 3) Πτυχίο Πληροφορικής
<b>5</b>	<b>ΤΙΤΛΟΣ ΔΙΔΑΚΤΟΡΙΚΗΣ ΔΙΑΤΡΙΒΗΣ</b>	Ανάπτυξη ενοποιημένων τεχνικών διαχείρισης και επεξεργασίας βιολογικών δεδομένων με εφαρμογές στη μελέτη της γονιδιακής έκφρασης
<b>6</b>	<b>ΣΧΟΛΗ/ΤΜΗΜΑ ΑΠΟΝΟΜΗΣ ΔΙΔΑΚΤΟΡΙΚΗΣ ΔΙΑΤΡΙΒΗΣ</b>	Τμήμα Ιατρικής Α.Π.Θ.
<b>7</b>	<b>ΗΜΕΡΟΜΗΝΙΑ ΑΠΟΝΟΜΗΣ ΔΙΔΑΚΤΟΡΙΚΗΣ ΔΙΑΤΡΙΒΗΣ</b>	27/6/2008
<b>8</b>	<b>ΠΕΡΙΛΗΨΗ ΔΙΔΑΚΤΟΡΙΚΗΣ ΔΙΑΤΡΙΒΗΣ ΜΕ ΕΜΦΑΣΗ ΣΤΟ ΓΝΩΣΤΙΚΟ ΑΝΤΙΚΕΙΜΕΝΟ</b>	<p>Η μελέτη της γονιδιακής έκφρασης αποτελεί αντικείμενο των Βιοεπιστημών και ειδικότερα της Βιολογικής Χημείας. Η ανάλυση των βιολογικών δεδομένων με τη χρήση εργαλείων Βιοπληροφορικής έχει συμβάλει σε μεγάλο βαθμό στο χαρακτηρισμό των μηχανισμών που διέπουν τη μελέτη της γονιδιακής έκφρασης. Σε αυτό το πλαίσιο, η διδακτορική διατριβή είχε ως αντικείμενο την ανάπτυξη τεχνικών διαχείρισης και πρόβλεψης γονιδιακών ενδιάμεσων δομών στο μάτισμα και την έκφραση εναλλακτικών γονιδιακών προϊόντων (ισομορφές). Συγκεκριμένα, έχοντας ως στόχο την αντιμετώπιση των προβλημάτων που διέπουν την ετερογένεια των εργαλείων πρόβλεψης γονιδιακών δομών, αλλά και τη μη συμφωνία των αποτελεσμάτων που εξάγουν, υλοποιήθηκε μία αρχιτεκτονική ενοποίηση των εργαλείων αυτών που προσφέρει τη δυνατότητα συνδυαστικής υποβολής ερωτημάτων με διαφανή τρόπο και επιτρέπει την ενοποιημένη ανάλυση και απεικόνιση των αποτελεσμάτων. Η εφαρμογή της αρχιτεκτονικής αυτής ανέδειξε την ανεπαρκή αποτελεσματικότητα των εργαλείων, γεγονός που πηγάζει κατά κύριο λόγο από την ελλιπή γνώση των υποκείμενων βιολογικών μηχανισμών επιλογής θέσεων ματίσματος. Οι θέσεις ματίσματος σηματοδοτούν την αρχή και το τέλος των ιντρονικών περιοχών ενός γονιδίου και κατά συνέπεια καθορίζουν τις λειτουργικές περιοχές που θα αποτελέσουν τα δομικά συστατικά των πρωτεϊνών. Ο βιολογικός μηχανισμός αναγνώρισης των θέσεων ματίσματος περιλαμβάνει πολλαπλές αλληλεπιδράσεις μεταξύ γειτονικών και απομακρυσμένων νουκλεοτιδίων. Η ελλιπής κατανόηση των αλληλεπιδράσεων αυτών καθιστά δύσκολη την υλοποίηση αποτελεσματικών υπολογιστικών τεχνικών πρόβλεψης θέσεων ματίσματος. Η διατριβή προτείνει έναν υβριδικό τρόπο εντοπισμού θέσεων ματίσματος που περιλαμβάνει</p>

		<p>δύο βήματα και εξάγει την ποσοτική εκτίμηση της ισχύος τους. Ως επέκταση της παραπάνω επεξεργασίας, η διατριβή προτείνει διάφορους τρόπους ανάλυσης των εναλλακτικών εξονίων και των παρακείμενων ιντρονικών περιοχών, προκειμένου να διερευνηθούν τα διακριτά χαρακτηριστικά που διαφοροποιούν τις ιδιοσύστατες από τις εναλλακτικές μορφές γονιδιακής έκφρασης. Τα ευρήματα των αναλύσεων Βιοπληροφορικής που αναπτύχθηκαν στα πλαίσια της διδακτορικής διατριβής αποτελούν σημαντική συνεισφορά στην κατανόηση των βιολογικών μηχανισμών που διέπουν τη γονιδιακή έκφραση και κατ' επέκταση τη γενετική βάση ασθενειών.</p>
9	<p><b>ΣΧΕΤΙΚΕΣ ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ ΣΕ ΔΙΕΘΝΗ ΕΠΙΣΤΗΜΟΝΙΚΑ ΠΕΡΙΟΔΙΚΑ (συμπεριλαμβανομένου του h-index και ετεροαναφορών όπου αξιολογείται)</b></p>	<p>Η κα. Μαλούση έχει συμμετάσχει σε 18 σχετικές δημοσιεύσεις επιστημονικών εργασιών σε διεθνή περιοδικά. Ο αριθμός ετεροαναφορών των δημοσιευμένων εργασιών της είναι 275 και το h-index είναι 9 (τελευταία ενημέρωση: Μάιος 2016). Αναλυτικά οι δημοσιευμένες εργασίες σε διεθνή επιστημονικά περιοδικά είναι οι εξής:</p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. A. Alentorn, A. Duran, <b>A. Malousi</b>, Y. Marie, M. Sanson, K. Hoang-Xuan, J. Delattre, A. Idbaih, C. Vecht. "Differential gene methylation in paired glioblastomas suggests a role of microenvironment in tumor progression". <i>Journal of Neurooncology</i>, 124(3):385-92, 2015.</li> <li>2. M. Karambataki, <b>A. Malousi</b>, S. Kouidou, "Risk-associated coding synonymous SNPs in type 2 diabetes and neurodegenerative diseases: genetic silence and the underrated association with splicing regulation and epigenetics". <i>Mutat Res</i>, 770:85-93, 2014.</li> <li>3. <b>A. Malousi</b>, I. Chouvarda, S. Kouidou, N. Maglaveras, "A Predictive model for genomic methylation targets in humans". <i>Journal of Bioinformatics</i>, 1(1):7-19, 2014.</li> <li>4. P. Athanasiadis, <b>A. Malousi</b>, S. Kouidou, N. Maglaveras, "GREMET: An integrative tool for the prediction of mutation effects on gene regulation", <i>Comput Methods Programs Biomed</i>, 111(1):214-9, 2013.</li> <li>5. <b>A. Malousi</b>, S. Kouidou, "DNA hypermethylation of alternatively spliced and repeat sequences in humans", <i>Mol Genet Genomics</i>, 287(8):631-42, 2012.</li> <li>6. C. Anastasiadou, <b>A. Malousi</b>, N. Maglaveras, S. Kouidou, "Human epigenome data reveal increased CpG methylation in alternatively spliced sites and putative exonic splicing enhancers", <i>DNA Cell Biol</i>, 30(5):267-75, 2011.</li> <li>7. S. Katafygiotis, R. Kavia, G. Gonzales, F. Dimitriadis, <b>A. Malousi</b>, E. Ioannidis, CJ Fowler, A. Lambropoulos, A. Apostolidis, "Do cannabinoid agonists used for the treatment of refractory lower urinary tract symptoms in patients with neurogenic detrusor overactivity have an effect on bladder afferent pathways?", <i>Neurourology and Urodynamics</i>, 30(6):846-847, 2011.</li> <li>8. M. Karambataki, <b>A. Malousi</b>, N. Maglaveras, S. Kouidou, "Synonymous polymorphisms at splicing regulatory sites are associated with CpGs in neurodegenerative disease-related genes". <i>Neuromol Med</i>, 12(3):260-9, 2010.</li> <li>9. V. Koutkias, I. Chouvarda, A. Triantafyllidis, <b>A. Malousi</b>, G. Giaglis, N. Maglaveras, "A personalized framework for medication treatment management in chronic care". <i>IEEE Transactions on Information Technology in Biomedicine</i>, 14(2):464-72, 2010.</li> <li>10. <b>A. Malousi</b>, I. Chouvarda, V. Koutkias, S. Kouidou, N. Maglaveras, "SpliceIT: A hybrid method for splice signal identification based on probabilistic and biological inference". <i>J Biomed Inform</i>, 43(2):208-17, 2010.</li> <li>11. V. Kotoula, E. Charalambous, B. Biesmans, <b>A. Malousi</b> et al., "Targeted KRAS mutation assessment on patient tumor histologic material in real time diagnostics". <i>PLoS One</i>, 4(11):e7746, 2009.</li> <li>12. S. Kouidou, <b>A. Malousi</b>, N. Maglaveras, "Li-Fraumeni and Li-Fraumeni-like syndrome mutations in p53 are associated with exonic methylation and splicing regulatory elements". <i>Mol Carcinogenesis</i>, 48(10):895-902, 2009.</li> <li>13. G. Tzimagiorgis, A. Fragou, <b>A. Malousi</b>, et al. "Genetic instability, splicing and epigenetic modification of p53". <i>FEBS Journal</i> 275:103 S1, 2008.</li> <li>14. <b>A. Malousi</b>, N. Maglaveras, S. Kouidou, "Intronic CpG content and alternative splicing in human genes containing a single cassette exon".</li> </ol>

		<p>Epigenetics, 3(2):1-4, 2008.</p> <p>15. S. Kouidou, <b>A. Malousi</b>, A. Kyventidis, K. Fragou, N. Maglaveras. "G:C &gt; A:T mutations and potential epigenetic regulation of p53 in breast cancer". <i>Breast Cancer Res Treat</i>, 106(3):351-360, 2007.</p> <p>16. V.G. Koutkias, <b>A. Malousi</b> and N. Maglaveras, "Engineering Agent-Mediated Integration of Bioinformatics Analysis Tools", <i>Multiagent and Grid Systems, Special Issue on Multiagent Systems for Medicine, Computational Biology, and Bioinformatics</i>, 3(2):245-258, 2007.</p> <p>17. S. Kouidou, <b>A. Malousi</b>, Maglaveras N., "Methylation and repeats in silent and nonsense mutations of p53". <i>Elsevier- Mutation Research</i>, 599(1-2):167-177, 2006.</p> <p>18. <b>A. Malousi</b>, V. Koutkias and N. Maglaveras, "Managing Evidence Derived from Multiple Gene Finding Resources via an XML-based Integration Architecture". <i>Journal of Integrative Bioinformatics</i>, 2(1), 2005.</p>
10	<p><b>ΣΧΕΤΙΚΕΣ ΔΗΜΟΣΙΕΥΣΕΙΣ ΣΕ ΠΡΑΚΤΙΚΑ ΣΥΝΕΔΡΙΩΝ</b></p>	<p><b>A) Εργασίες συνεδρίων που δημοσιεύτηκαν σε κεφάλαια βιβλίων</b></p> <p>1. <b>A. Malousi</b>, N. Papakonstantinou, M. Tsagiopoulou, K. Stamatopoulos, N. Maglaveras. "Computational Analysis of Pathways Enrichment in DNA Methylation Array Data", In: <i>The International Conference on Health Informatics</i>. Edited by Zhang Y-T, vol. 42: Springer International Publishing; 144-147, 2014.</p> <p>2. K. Vegoudakis, V. Koutkias, <b>A. Malousi</b>, I. Chouvarda, N. Maglaveras N. "Towards User-friendly Interfacing of Biomedical Applications with the Grid: A Paradigm with SVM Optimization for Gene Prediction", in <i>J. Vander Sloten, P. Verdonck, M. Nyssen, J. Hauëisen: ECIFMBE 2008, IFMBE Proceedings, Vol. 22</i>, pp. 1430-1433, Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2008.</p> <p>3. <b>A. Malousi</b>, V. Koutkias, S. Kouidou and N. Maglaveras, "Intrinsic Splicing Profile of Human Genes Undergoing Simple Cassette Exon Events", in: N. Maglaveras et al. (Eds.): <i>International Symposium on Biological and Medical Data Analysis (ISBMDA) 2006, Lecture Notes in Computer Science 4345</i>, pp. 60-71, Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2006.</p> <p>4. <b>A. Malousi</b>, V. Koutkias and N. Maglaveras, "Managing Evidence Derived from Multiple Gene Finding Resources via an XML-based Integration Architecture", in: <i>Integrative Bioinformatics Yearbook 2005</i>, Ralf Hofestädt (Ed.), pp. 55-64, ISBN 3-8322-5268-1, Shaker Verlag, Aachen, 2006.</p> <p>5. V. Koutkias, <b>A. Malousi</b>, I. Chouvarda and N. Maglaveras, "Constructing a Semantically Enriched Biomedical Service Space: A Paradigm with Bioinformatics Resources", in: <i>Challenges and Opportunities of Healthgrids</i>, V. Hernández et al. (Eds.), <i>Studies in Health Technology and Informatics, Vol. 120</i>, pp. 236-246, IOS Press, 2006.</p> <p>6. <b>A. Malousi</b>, V. Koutkias, I. Chouvarda and N. Maglaveras, "Vertical Integration of Bioinformatics Tools and Information Processing on Analysis Outcome", in: José Luis Oliveira et al. (Eds.): <i>International Symposium on Biological and Medical Data Analysis (ISBMDA) 2005, Lecture Notes in Computer Science 3745</i>, pp. 89-100, Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2005.</p> <p>7. I. Chouvarda, V. Koutkias, <b>A. Malousi</b> and N. Maglaveras, "Grid-enabled Biosensor Networks for Pervasive Healthcare", in: <i>From Grid to HealthGrid</i>, T. Solomonides et al. (Eds.), <i>Studies in Health Technology and Informatics, Vol. 112</i>, pp. 90-99, IOS Press, 2005.</p> <p>8. V. Koutkias, <b>A. Malousi</b> and N. Maglaveras, "Performing Ontology-driven Gene Prediction Queries in a Multi-Agent Environment", in: J. M. Barreiro et al. (Eds.): <i>International Symposium on Biological and Medical Data Analysis (ISBMDA) 2004, Lecture Notes in Computer Science 3337</i>, pp. 378-387, Springer-Verlag Berlin Heidelberg, 2004.</p> <p><b>B) Δημοσιεύσεις σε πρακτικά συνεδρίων</b></p> <p>1. A. Tenenhaus, V. Guillemot, C. Philippe, V. Frouin, V. Perlberg, J. Guégan, <b>A. Malousi</b> and I. Moszer, "RGCCA for the Joint Analysis of Omics Datasets". Workshop on "Statistical Methods for Omics Data Integration and Analysis" Heraklion, Crete, Greece, November 10-12, 2014.</p> <p>2. <b>A. Malousi</b>, J. Guegan, V. Guillemot, V. Perlberg, A. Tenenhaus and I. Moszer, "Scaling Sequencing Pipelines for Whole Genomes". ECCB'14 13th European Conference on Computational Biology, Strasburg 7-10 Sep 2014.</p>

3. N. Papakonstantinou, S. Ntoufa, M. Tsagiopoulou, E. Stalika, **A. Malousi**, et al. TAp63 is epigenetically regulated and highly overexpressed in CLL aggressive stereotyped subset #8. 19<sup>th</sup> congress of European Hematology Association, Milan, Italy, 12-15 June 2014.
4. J. Guegan, V. Guillemot, **A. Malousi**, V. Perlberg, A. Tenenhaus, I. Moszer, "Multimodal data analysis and Integration for Translational Neurosciences, 1<sup>st</sup> Pan-european Congress on Core Technologies for Life Science (CTLs), Institute Pasteur, Paris, France, 2-5 June 2014.
5. N. Papakonstantinou, **A. Malousi**, M. Tsagiopoulou, J. Gutwein, O. Ammerpohl, M. Kneba, A. Anagnostopoulos, M. Ritgen, N. Maglaveras, R. Siebert, C. Pott, K. Stamatopoulos. "DNA Methylation Changes in Patients With Chronic Lymphocytic Leukemia Relapsing After Treatment Are Not Stochastic But Rather Selectively Affect Critical Pathways For B-Cell Physiology", 55th Annual Meeting of American Society of Hematology, New Orleans, LA. (Blood 122:4146), 7-10 December 2013.
6. M. Karambataki, **A. Malousi**, S. Kouidou. "Neutrality" of synonymous SNPs in epigenetically regulated and splicing enhancing sequences: are they silent? Third Clinical Epigenetics International Meeting, Solingen, Germany, March 14th - 15th, 2013.
7. **A. Malousi**, S. Kouidou. DNA hypermethylation in specific types of alternatively spliced and repeat sequences and in exonic splicing enhancers. In Proc of the 62th National Conference of Biochemistry and Molecular Biology, Athens, Greece, 2011.
8. M. Karambataki, **A. Malousi**, S. Kouidou. Splicing-regulating synonymous SNPs in diabetes type 2 and neurodegenerative diseases are more frequent in CpGs. In Proc of the 62th National Conference of Biochemistry and Molecular Biology, Athens, Greece, 2011.
9. S. Katafygiotis, R. Kavia, G. Gonzales, F. Dimitriadis, **A. Malousi**, E. Ioannidis, C.J. Fowler, A. Lambropoulos, A. Apostolidis, Do cannabinoid agonists used for the treatment of refractory lower urinary tract symptoms in patients with neurogenic detrusor overactivity have an effect on bladder afferent pathways?, Int. Continence Society 2011, Glasgow, 29/8-2/9 2011.
10. S. Kouidou, **A. Malousi**, N. Maglaveras, "Conservation of exonic splicing regulatory elements epigenetic landmarks in human and mouse p53" 1st International p53 isoforms meeting, IARC, Lyon 13-15 September 2010.
11. **A. Malousi**, I. Chouvarda, V. Koutkias, S. Kouidou and N. Maglaveras, "Variable-length positional modeling for biological sequence classification", American Medical Informatics Association (AMIA) Annu Symp Proc. 2008, Washington DC, USA AMIA Annu Symp Proc., 6:91-95, 2008.
12. K. Vegoudakis, V. Koutkias, **A. Malousi**, I. Chouvarda, N. Maglaveras, "A generic Grid interface and execution framework for biomedical applications", IEEE Bioinformatics and BioEngineering (BIBE), 1/6/2008.
13. **A. Malousi**, S. Kouidou and N. Maglaveras, "Detecting over-represented motifs in alternatively spliced exons using Gibbs sampling". Conf Proc IEEE Engineering in Medicine and Biology Society, 1:139-142, 2007.
14. V.G. Koutkias, **A. Malousi** and N. Maglaveras, "Engineering Agent-Mediated Integration of Bioinformatics Analysis Tools", in Proc. of the 1<sup>st</sup> International Workshop on Multi-Agent Systems for Medicine, Computational Biology, and Bioinformatics, 4<sup>th</sup> International Joint Conference on Autonomous Agents and Multiagent Systems (AAMAS2005), pp. 122-136, Utrecht, The Netherlands, 25 July 2005.
15. **A. Malousi**, V. Koutkias, I. Chouvarda and N. Maglaveras, "Managing Evidence Derived from Multiple Gene Finding Resources via an XML-based Integration Architecture", in Proc. of the International Integrative Bioinformatics Workshop, Bielefeld, Germany, 4-5 July, 2005.
16. S. Kouidou, T. Agidou, **A. Malousi**, N. Maglaveras and G. Tzimagiorgis, "Non-CpG cytosine methylation and mutagenesis in p53". Proceedings of the 18th IGB meeting on Epigenetic Bases of Genome Reprogramming, Capri Italy, 8-11 October 2005.
17. **A. Malousi**, N. Maglaveras, "XMLgenes: Applying XML to uniformly describe gene structure prediction outcomes". Proceedings of the 10th International Symposium for Health Information Management Research, Thessaloniki, September 2005.
18. **A. Malousi**, V. Koutkias and N. Maglaveras, "A Unified XML-based Output Representation of Ab-initio Gene Prediction Tools", in Proc. of the 4<sup>th</sup> European Symposium on Biomedical Engineering and Medical Physics, University of Patras, Greece, 25-27 June, 2004.

Handwritten signature and initials at the bottom left of the page.



		<p>19. V. Koutkias, I. Chouvarda, <b>A. Malousi</b> and N. Maglaveras, "Extending the PANACEIA-iTV System to Provide Healthcare Applications on the GRID", in Proc. of the HealthGrid 2004 Conference, France, 29-30 Jan, 2004.</p> <p>20. G. Tzimagiorgis, <b>A. Malousi</b>, E. Georgiou, A. Fragou, N. Barbetakis, C. Tsilikas, S. Kouidou, and N. Maglaveras. "Genetic instability and epigenetic modification of <i>p53</i>". In 4th International Greek Biotechnology Forum, Athens, Greece, 2008.</p> <p>21 <b>A. Malousi</b>, V. Koutkias, N. Maglaveras, S. Kouidou, "Computational Analysis Reveals a Significant Association of CpG Frequencies and Splicing Potential", in Proc. of the 59th Conference of the Hellenic Society of Biochemistry and Molecular Biology, Athens, December 2007.</p> <p>22. G. Tzimagiorgis, <b>A. Malousi</b>, E. Georgiou, A. Fragou, N. Barbetakis, C. Tsilikas, N. Maglaveras, and S. Kouidou. Alternative splice sites and genetic instability in <i>p53</i>. In Proc of the 59th National Conference of Biochemistry and Molecular Biology, Athens, Greece, 2007.</p> <p>23. V. Koutkias, <b>A. Malousi</b>, I. Chouvarda, and N. Maglaveras, "A multiagent system to automate human gene prediction by integrating heterogeneous computational tools". In Proc. of the 3rd Hellenic Conference on Artificial Intelligence, Companion Volume, 139-148, Samos, Greece, 2004.</p>
11	<p><b>ΣΧΕΤΙΚΗ ΔΙΕΤΗΣ ΕΚΠΑΙΔΕΥΤΙΚΗ ΕΜΠΕΙΡΙΑ ΣΕ ΕΛΛΗΝΙΚΟ/ΟΜΟΤΑΓΕΣ ΑΕΙ ή ΣΧΕΤΙΚΗ ΔΙΕΤΗΣ ΕΜΠΕΙΡΙΑ ΣΕ ΕΡΓΑΣΤΗΡΙΑΚΟ-ΕΦΑΡΜΟΣΜΕΝΟ-ΔΙΔΑΚΤΙΚΟ ΕΡΓΟ (πλήρης τεκμηρίωση)</b></p>	<p>Η διδακτική, μεταδιδασκτορική εμπειρία, όπως αποδεικνύεται από τα συνημμένα πιστοποιητικά είναι η ακόλουθη:</p> <p>1) <b>Εκπαιδευτικό Ίδρυμα:</b> Α.Π.Θ., Τμήμα Ιατρικής (Πιστοποιητικό 14)  <b>Μήνες απασχόλησης:</b> 1,5 (13/4/2016 – 31/5/2016)  <b>Ιδιότητα:</b> Διδασκαλία στο Πρόγραμμα Μεταπτυχιακών Σπουδών στην "Ιατρική Ερευνητική Μεθοδολογία" (Σύμβαση έργου)</p> <p>2) <b>Εκπαιδευτικό Ίδρυμα:</b> Α.Π.Θ., Τμήμα Ιατρικής (Πιστοποιητικό 9)  <b>Μήνες απασχόλησης:</b> 12 (1/9/2009 – 31/8/2010)  <b>Ιδιότητα:</b> Απόσπαση από Β/θμια Εκπαίδευση για την υποστήριξη εργαστηριακών μαθημάτων του Τμήματος Ιατρικής</p> <p>3) <b>Εκπαιδευτικό Ίδρυμα:</b> ΤΕΙ Θεσσαλονίκης, Τμήμα Θετικών Επιστημών (Πιστοποιητικό 11)  <b>Μήνες απασχόλησης:</b> 4 ώρες εβδομαδιαία για συνολικά 14 μήνες (1/10/2008 – 3/7/2009 και 1/10/2009 - 19/1/2010)  <b>Ιδιότητα:</b> Εργαστηριακός συνεργάτης (σύμβαση εργασίας)</p>
12	<p><b>ΣΧΕΤΙΚΗ ΔΙΕΤΗΣ ΕΡΓΑΣΙΑ ΣΕ ΕΡΕΥΝΗΤΙΚΑ ΚΕΝΤΡΑ ΗΜΕΔΑΠΗΣ/ΑΛΛΟΔΑΠΗΣ</b></p>	<p>Η ερευνητική, μεταδιδασκτορική εμπειρία, όπως αποδεικνύεται από τα συνημμένα πιστοποιητικά είναι η ακόλουθη:</p> <p>1) <b>Ερευνητικό Ίδρυμα:</b> Πανεπιστημιακό Νοσοκομείο Pitié-Salpêtrière, Ινστιτούτο Μεταφραστικών Νευροεπιστημών, Παρίσι (Πιστοποιητικό 10)  <b>Μήνες απασχόλησης:</b> 20,5 (14/10/2013 – 30/6/2015)  <b>Ιδιότητα:</b> Μηχανικός Έρευνας –Σύμβαση εργασίας (άδεια άνευ αποδοχών από τη Β/θμια εκπαίδευση)</p> <p>2) <b>Ίδρυμα:</b> Εθνικό Κέντρο Έρευνας &amp; Τεχνολογικής Ανάπτυξης, Ινστιτούτο Εφαρμοσμένων Βιοεπιστημών (Πιστοποιητικό 13)  <b>Μήνες απασχόλησης:</b> 6 (1/8/2013 – 31/1/2014)  <b>Ιδιότητα:</b> Έρευνα και ανάπτυξη με σύμβαση έργου (83% πλήρους απασχόλησης)</p> <p>3) <b>Ίδρυμα:</b> Α.Π.Θ., Τμήμα Ιατρικής, Εργαστήριο Ιατρικής Πληροφορικής (Πιστοποιητικό 12)  <b>Μήνες απασχόλησης:</b> 12 (1/7/2008-31/8/2008, 1/11/2008-31/8/2009)  <b>Ιδιότητα:</b> Σύμβαση έργου</p>
13	<p><b>ΑΡΙΘΜΟΣ ΕΓΚΡΙΣΗΣ ΤΟΥ ΥΠΗΡΕΣΙΑΚΟΥ ΣΥΜΒΟΥΛΙΟΥ ΤΟΥ ΥΠΟΨΗΦΙΟΥ</b></p>	

<b>14</b>	<b>ΕΠΙΠΡΟΣΘΕΤΑ ΠΡΟΣΟΝΤΑ</b>	Επιπροσθέτως, η κα Μαλούση διαθέτει τα εξής συναφή προσόντα: <ol style="list-style-type: none"> <li>1. 11 έτη διδασκαλίας στη Β/θμια εκπαίδευση (πέραν των ετών απόσπασης και άδειας άνευ αποδοχών)</li> <li>2. Μέλος της εκδοτικής ομάδας 2 επιστημονικών περιοδικών</li> <li>3. Reviewer σε 12 διεθνή επιστημονικά περιοδικά</li> <li>4. Συμμετοχή στην οργανωτική επιτροπή 2 συνεδρίων</li> <li>5. Reviewer ευρωπαϊκών ερευνητικών προτάσεων</li> <li>6. Συμμετοχή στην τριμελή συμβουλευτική επιτροπή μίας μεταπτυχιακής εργασίας</li> <li>7. Συμμετοχή στην επίβλεψη 6 διπλωματικών εργασιών</li> </ol>
-----------	---------------------------------	--

Ο συνολικός, μη επικαλυπτόμενος χρόνος μεταδιδασκατορικής εκπαιδευτικής και ερευνητικής εμπειρίας (πλήρους απασχόλησης) της κας Μαλούση είναι 48,5 μήνες, όπως φαίνεται στον παρακάτω πίνακα:

Χρονικό Διάστημα	Ίδρυμα	Έργο	Διάρκεια (Μήνες)
13/04/2016 – 31/05/2016	Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης, Τμήμα Ιατρικής	Διδακτικό	1,5
14/10/2013 – 30/6/2015	Πανεπιστημιακό Νοσοκομείο Pitié-Salpêtrière, Ινστ. Μεταφραστικών Νευροεπιστημών, Παρίσι	Ερευνητικό	20,5
01/08/2013 – 13/10/2013	ΕΚΕΤΑ, Ινστιτούτο Εφαρμοσμένων Βιοεπιστημών	Ερευνητικό	2,5
01/09/2009 – 31/08/2010	Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης, Τμήμα Ιατρικής	Διδακτικό	12
01/11/2008 – 31/8/2009	Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης, Τμήμα Ιατρικής	Ερευνητικό	10
01/07/2008 – 31/08/2008	Αριστοτέλειο Πανεπιστήμιο Θεσσαλονίκης, Τμήμα Ιατρικής	Ερευνητικό	2

Σύνολο: **48,5**